

# Curriculum vitae

Apellido: LIJAVETZKY

Nombre: DIEGO CLAUDIO

**DATOS PERSONALES - IDENTIFICACION**

Apellido/s: **LIJAVETZKY**  
Nombre: **DIEGO CLAUDIO**  
Cantidad: **0**  
Sexo: **MASCULINO**  
Nacionalidad: **argentina**  
Documento tipo: **DNI**  
Número de documento: **16557920**  
País: **Argentina**  
Partido: **Capital Federal**  
Información adicional:

Apellido/s de casada:  
  
Estado civil: **Soltero/a**  
Condición de nacionalidad: **Nativo**  
País emisor pasaporte:  
C.U.I.T. /C.U.I.L.: **20165579209**  
Provincia: **Capital federal**  
Fecha de nacimiento: **13/09/1963**

**DATOS PERSONALES - DIRECCION RESIDENCIAL**

Calle: **PUEYRREDÓN**  
País: **Argentina**  
Partido/Departamento: **Luján de Cuyo**  
Código postal: **5505**  
Teléfono particular:  
Fax:  
Web: **http://**  
Información adicional:

Nº: **1985** Piso: **PB** Ofi./Depto: **5**  
Provincia: **Mendoza**  
Localidad: **CHACRAS DE CORIA**  
Casilla postal:  
Teléfono celular:  
E-mail: **diegolija@hotmail.com**

**DATOS PERSONALES - LUGAR DE TRABAJO**

Institución:  
**CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS / CTRO.CIENTIFICO TECNOL.CONICET - MENDOZA / INST.DE BIOLOGIA AGRICOLA DE MENDOZA**  
Calle: **Almirante Brown**  
País: **Argentina**  
Partido: **Luján de Cuyo**  
Código postal: **5505**  
Teléfono particular: **54-261-413-5000-1307**  
Fax:  
Web: **http://bit.ly/IBAM-**

Nº: **500** Piso: Depto/Ofi.  
Provincia: **Mendoza**  
Localidad: **Chacras de Coria**  
Casilla postal: **5505**  
Teléfono celular:  
E-mail: **dlijavetzky@conicet.gov.ar**

**FORMACION****■ FORMACION ACADEMICA - Nivel Universitario de Posgrado/Doctorado:**

Situación del nivel: **Completo**  
Fecha inicio: **01-1993** Fecha egreso: **12-1996**  
Denominación de la carrera: **Doctorado en Ciencias Biológicas**  
Título: **Doctor en Ciencias Biológicas**  
Número de resolución:  
Instituciones otorgantes del título:  
**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE CS.EXACTAS Y NATURALES**

Título de la tesis : **Mapeo y caracterización de**

% de avance de la tesis:

Apellido del director/tutor: **Hopp**

Nombre del director/tutor: **Esteban H.**

Institución del director/tutor:

**INST.NAC.DE TECNOLOGIA AGROPECUARIA / COORDINACION NAC.DE INVES.Y DESARROLLO  
TECNOLOGICO / CENTRO DE INVEST.DE CS.VETERINARIAS Y AGRONOMICAS / INST.DE  
BIOTECNOLOGIA**

Apellido del co-director/co-tutor:

Nombre del co-director/co-tutor:

Institución del co-director/co-tutor:

¿Realizó su posgrado con una beca?: **Si**

Institucion:

**CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS**

Área de conocimiento: **Ciencias Biológicas**

Sub-área de conocimiento: **Ciencias de las Plantas, Botánica**

Especialidad: **Genética y Genómica**

Información adicional:

#### ■ **FORMACION ACADEMICA - Nivel Universitario de Grado:**

Situación del nivel: **Completo**

Fecha inicio: **04-1983**

Fecha egreso: **06-1990**

Denominación de la carrera: **Agronomía**

Obtención de título intermedio: **No**

Denominación del título intermedio:

Título: **Ingeniero Agrónomo**

Instituciones otorgantes del título:

**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE AGRONOMIA**

Título de la tesina: **Efecto de genes individuales sobre**

% de avance de la tesina:

Apellido del director/tutor: **Goldenberg**

Nombre del director/tutor: **José B.**

Área de conocimiento: **Ciencias Biológicas**

Sub-área de conocimiento: **Ciencias de las Plantas, Botánica**

Especialidad: **Genética**

Información

### **ANTECEDENTES ACADEMICOS**

#### ■ **FINANCIAMIENTO CIENTIFICO Y TECNOLOGICO:**

Tipo de financiamiento: **Proyectos de I+D**

Título o denominación del proyecto:

**Análisis de genes candidatos en la determinación de tamaño del fruto de vid**

Descripción del proyecto:

**El tamaño del fruto es un carácter de gran importancia en la mayoría de las especies frutícolas y hortícolas, habiendo sido objeto de selección desde los inicios de la agricultura moderna. Si bien su determinación a nivel de cultivo está muy influenciada por las prácticas culturales (poda, fertilización, espaciamiento, etc.), se han identificado diversos genes controlando el tamaño y la forma de los frutos. El gen ANT es miembro de la familia de factores de transcripción de tipo APETALA2/ETHYLENE RESPONSE FACTOR (AP2/ERF), cuya mutación produce que los óvulos no se desarrollen y la megasporogénesis es bloqueada en el estadio**

de tétrada. Basados en estos resultados, se cree que ANT regularía la proliferación celular y el mantenimiento de la competencia meristemática durante la organogénesis. Por otro lado, la caracterización en Arabidopsis y en otras especies vegetales de otros siete genes relacionados (genes AINTEGUMENTA-like o AIL) sugiere también su participación en la especificación de estadios meristemáticos en tejidos jóvenes. Estudios recientes mostraron que si bien la vid es considerada una especie climatérica, el etileno muestra un claro efecto en la regulación de la maduración de las uvas. Así mismo, se ha reportado que la aplicación de etileno durante el envero incrementa el diámetro de las bayas y afecta la expresión de genes relacionados con la expansión de los tejidos del fruto. El objetivo general del presente proyecto es estudiar la variación natural presente en vid para el gen ANT y los distintos AIL respecto de su rol en la determinación de tamaño de las uvas y determinar en qué medida estos genes son regulados por el etileno durante el desarrollo de la baya.

Campo aplicación: **AGRONOMIA Y DASONOMIA-**

Función desempeñada: **Director**

Moneda: **Pesos**

Monto total: **10000.00**

Fecha desde: **11-2011**

Fecha hasta: **11-2013**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
UNIV.NAC.DE CUYO / SECRETARIA DE CIENCIA Y TECNICA	Si	Si	100

Tipo de actividad I+D: **Investigación básica**

Título de proyecto:

Código identificación del proyecto: **06/A504**

Nombre y apellido del director:

Nombre y apellido del co-director:

Fecha de inicio de participación en el **11-2011**

Fecha fin: **11-2013**

Palabra clave: **VID, GENÉTICA Y GENÓMICA, CARACTERES DE CALIDAD, TAMAÑO DE FRUTO**

Área del conocimiento: **CIENCIAS AGRÍCOLAS**

Sub-área del conocimiento: **Biotecnología Agropecuaria**

Especialidad:

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Utilización y desarrollo de herramientas genómicas y transcriptómicas para la caracterización y el estudio de cultivares y clones de vid (Vitis vinifera)**

Descripción del proyecto:

El objetivo general del presente proyecto es contribuir a la mejora de la calidad de la vid a partir de la aplicación de distintas metodologías y herramientas genómicas y transcriptómicas. Dentro de este marco, se desarrollarán objetivos específicos destinados a: 1) intentar dilucidar los fundamentos biológicos subyacentes de los procesos de mejoramiento genético a partir de determinar los efectos de la selección clonal sobre la expresión global de genes relacionados con la calidad de las uvas; 2) utilizar marcadores moleculares de última generación de tipo Single Nucleotide Polymorphism (SNP)<sup>1,2</sup> para evaluar la variabilidad genética de colecciones de vid; 3) realizar la puesta a punto de la técnica de High Resolution Melting analysis (HRM)<sup>2-5</sup> con el fin de complementar el objetivo anterior y contar con marcadores económicos y técnicamente accesibles; y 4) asistir la implantación de una selección clonal del cultivar Torrontés.

Campo aplicación:

Función desempeñada: **Director**

Moneda: **Pesos**

Monto total: **250000.00**

Fecha desde: **05-2010**

Fecha hasta: **05-2013**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLOGICA	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Regulación genética de la acumulación de resveratrol en vid. Variación genética natural y respuesta a diferentes tipos de estrés**

Descripción del proyecto:

La finalidad del proyecto es contribuir a la mejora de la calidad de la producción de uva para vinificación y de mesa a partir del desarrollo de un conocimiento global de la producción y acumulación de fitoalexinas, particularmente de resveratrol. El interés en reducir el impacto de los tratamientos con plaguicidas y fungicidas está despertando un renovado interés por la mejora de las variedades de uva de vinificación (ya existentes) y de nuevas uva de mesa en todo el mundo, por lo cual es determinante dilucidar los mecanismos de defensa de la vid. Por otro lado, el valor nutracéutico del resveratrol, debido a sus propiedades antioxidantes y anticolesterolemicas está recibiendo una importante difusión en los últimos años. Por tanto, el objetivo general de esta línea de investigación es estudiar los aspectos genéticos, genómicos, moleculares y fisiológicos de la regulación de la producción y acumulación de resveratrol (y fitoalexinas relacionadas) en plantas y cultivos celulares de vid (*Vitis vinifera*), debidas tanto a diferencias genotípicas como a la respuesta ante factores bióticos como abióticos.

Campo aplicación:

Función desempeñada: **Director**

Moneda: **Pesos**

Monto total: **170000.00**

Fecha desde: **03-2010**

Fecha hasta: **03-2013**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLOGICA	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Generación, transferencia y difusión de conocimientos científicos y tecnológicos para fortalecer la innovación, la sustentabilidad y la competitividad de la Vitivinicultura Argentina**

Descripción del proyecto:

**A**

Campo aplicación:

Función desempeñada: **Investigador**

Moneda: **Pesos**

Monto total: **3000000.00**

Fecha desde: **01-2010**

Fecha hasta: **12-2013**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLOGICA	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Caracterización de variedades y clones de vid mediante herramientas genómicas**

Descripción del proyecto:

En el presente proyecto proponemos utilizar herramientas genómicas desarrolladas previamente por los investigadores firmantes del proyecto con dos objetivos muy definidos. En primer lugar, la caracterización genética de las variedades del banco de germoplasma de vid de la EE INTA Mendoza. En segundo lugar, pretendemos caracterizar la variación para el contenido en antocianos que presentan dos variedades de élite (Malbec la variedad bandera en la viticultura argentina y Tempranillo la variedad de más amplio cultivo en las D.O. españolas.) con el fin de identificar la base genética y molecular de esta variación y establecer los materiales base que sirvan para la mejora del color en los vinos elaborados a partir de ellas.

Campo aplicación: **Produccion vegetal**

Función desempeñada: **Director**

Moneda: **Pesos**

Monto total: **92000.00**

Fecha desde: **01-2010**

Fecha hasta: **12-2011**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
MINCYT	No	No	50
Ministerio de Ciencia y Tecnología	No	No	50

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Genómica funcional del mecanismo de elicitación de cultivos celulares vegetales para la producción de compuestos con actividad anti-tumoral**

Descripción del proyecto:

**Evaluación por medio de diversas técnicas (qPCR, microarray) de cultivos celulares de vid sometidos a distintos elicitores, solos y combiandos**

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Euros**

Monto total: **60360.00**

Fecha desde: **01-2009**

Fecha hasta: **12-2011**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
<b>Fundación Seneca (Consejería de Educación, Ciencia e Investigación, Murcia)</b>	<b>No</b>	<b>No</b>	<b>100</b>

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**(PME-PRH) Formación de recursos humanos e incorporación de nuevos investigadores para el fortalecimiento de la base científica de la Universidad Nacional de Cuyo**

Descripción del proyecto:

**Proyectos de Mejora de Equipamiento**

Campo aplicación:

Función desempeñada: **Director**

Moneda: **Pesos**

Monto total: **70000.00**

Fecha desde: **12-2008**

Fecha hasta: **12-2012**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
<b>MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLOGICA</b>	<b>No</b>	<b>No</b>	<b>100</b>

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Análisis funcional de genes implicados en la transición floral en Arabidopsis y Vid**

Descripción del proyecto:

**La transición floral representa una de las decisiones más importantes en el desarrollo de las plantas. La comprensión de los mecanismos genéticos y moleculares que regulan este proceso permite modular el tiempo de floración de las especies de cultivo y modificar su tiempo de generación. En este proyecto pretendemos analizar parte de la cascada de regulación transcripcional que controla el inicio de la floración a través de la ruta autónoma en Arabidopsis y su contrapartida en vid. Con este objetivo, proponemos analizar la función de los genes FVE1 y FVE2 de Arabidopsis mediante el uso de herramientas genómicas y de genética inversa y explotando la variación natural para estos genes en Arabidopsis. Además, en vid, caracterizaremos los genes homólogos a FVE, así como un grupo de genes de la familia MADS que podrían ser sus potenciales dianas en el control de la iniciación floral en esta especie. Con esta aproximación esperamos ampliar la información acerca de la función de estas familias génicas en especies herbáceas y leñosas. Estos resultados también servirán para diseñar nuevas estrategias de modificación del desarrollo reproductivo en estas especies.**

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Euros**

Monto total: **150000.00**

Fecha desde: **01-2006**

Fecha hasta: **12-2008**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
<b>Ministerio de Ciencia y Tecnología</b>	<b>No</b>	<b>No</b>	<b>100</b>

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Análisis genómico del desarrollo y la maduración de la uva**

Descripción del proyecto:

Grapevine is the most economically important fruit species in the world with more than 7.4 million hectares planted in vineyards. Grapes are produced for fruit, juice, raisins and are also the basis of high added value products, mainly wine and spirits. Grapevine (*Vitis vinifera* L.) and wine represent a relevant share of agricultural economy in Western countries as well as an important part of their culture. Table grape and wine sales contribute significantly to the economies of major wine producing countries. In spite of this high economic and social relevance, and contrary to the general trend in annual crops, most improvements in grapevine and wine production are mainly based on technological developments in agronomical and enological practices., but Very little has been done on at the molecular level to the exploitation of the biology of genomic resources in the species. As in other woody species, this is mainly due to the lack of information on the genetic genomic basis of most relevant agronomic and quality traits, which is difficulted complicated by the biology of the species, most notably its perennial growth habit. Understanding grapevine biology genomics is now a prerequisite to further improvement of viticultural practices as well as for the development of new varieties through breeding programs and adapting the best clones to the most suitable vineyard environments.

Currently, the development of powerful molecular tools and the availability of two fully-sequenced plant genomes fully sequenced provide a technological and information framework in which a genomics approach can be the faster way most efficient strategy to rapidly improve our understanding of grapevine biology. Within this context, the current proposal is focused on the genomics of fruit development and fruit quality in grapevine. Fruit quality depends on the genotypic component of the cultivar as well as the environmental conditions. In fact, within any given vineyard, fruit quality can vary from year to year, depending on changes in microclimate and viticulture management practices. The genetic determinants of grape quality are practically unknown in *V. vinifera*. Furthermore, how external factors interact at the cellular and molecular levels to cause differences in fruit quality is not understood

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Euros**

Monto total: **700000.00**

Fecha desde: **04-2005**

Fecha hasta: **03-2007**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
Fundación Genoma España	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Caracterización Genómica de Factores Transcripcionles DOF en Arabidopsis y arroz**

Descripción del proyecto:

**Dof proteins are a family of plant-specific transcription factors that contain a particular class of zinc-finger DNA-binding domain. Members of this family have been found to play diverse roles in gene regulation of processes restricted to the plants. The completed genome sequences of rice and Arabidopsis constitute a valuable resource for comparative genomic analyses, since they are representatives of the two major evolutionary lineages within the angiosperms. In this framework, the identification of phylogenetic relationships among Dof proteins in these species is a fundamental step to unravel functionality of new and yet uncharacterised genes belonging to this group.**

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Euros**

Monto total: **69556.20**

Fecha desde: **01-2004**

Fecha hasta: **12-2006**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
Comunidad Autónoma De Madrid	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Explotación de la variación natural en la genómica funcional de la vid**

Descripción del proyecto:

**The value of any table grape, grape juice or wine product is fundamentally dependent on healthy, high quality fruit. Fruit quality in any vineyard can vary from year to year. This inconsistency in quality can be largely attributed to changes in microclimate and viticulture management practices. The genetic determinants of grape quality are practically unknown in *Vitis vinifera*. Furthermore, how external factors encountered in the vineyard interact at the cellular and molecular level to cause differences in fruit quality is not understood. A major goal of our grape genomics research will be to advance our understanding of the genetic and molecular mechanisms underlying berry quality and how basic signalling and metabolic pathways are globally modified in response to changes in viticultural practices**



and environmental conditions. The overall proposed research goal will be achieved through the following objectives:

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Euros**

Monto total: **150000.00**

Fecha desde: **01-2004**

Fecha hasta: **12-2006**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
Ministerio de Ciencia y Tecnología	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Desarrollo De Marcadores Moleculares (Microsatélites y Otros Marcadores De PCR) Ligados Al Brotado Precosecha En Sorgo Granífero Para Su Aplicación Al Mejoramiento Vegetal**

Descripción del proyecto:

**El objetivo del proyecto fue explotar la información generada en la línea de Resistencia al Brotado Pre-Cosecha y por otro lado, desarrollar nuevos marcadores de tipo microsatélites para su aplicación en el mejoramiento de la resistencia al BPC de genotipos de sorgo de la empresa.**

Campo aplicación:

Función desempeñada: **Director**

Moneda: **Dolares**

Monto total: **17000.00**

Fecha desde: **06-2001**

Fecha hasta: **12-2005**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
Advanta Seeds Argentina	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Caracterización De Factores Transcripcionales Implicados En El Desarrollo De La Semilla**

Descripción del proyecto:

**Los factores transcripcionales de la clase DOF son una familia de proteínas implicada en la regulación de la expresión génica de procesos específicos de plantas que se unen a la secuencia 5'-(T/A)AAAG-3' en los promotores de los genes que regulan. La presente tesis versa sobre: 1.- La identificación y anotación de nuevos genes DOF de cebada. 2.- La caracterización molecular y funcional de dos nuevos factores DOF de esta especie implicadas en la regulación de genes específicos de semillas. 3.- La realización de un análisis filogenético evolutivo de la familia DOF en siete especies representativas de la evolución de las plantas, el alga verde Chlamydomonas reinhardtii, el musgo Physcomitrella patens, el helecho Selaginella moellendorffii, la gimnosperma Pinus taeda, la angiosperma dicotiledónea Arabidopsis thaliana y las dos angiospermas monocotiledóneas Oryza sativa y Hordeum vulgare. En C.reinhardtii hemos identificado un único miembro de la familia DOF, en P.patens nueve, y ocho en S.moellendorffii y P.taeda.**

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Euros**

Monto total: **90000.00**

Fecha desde: **01-2001**

Fecha hasta: **12-2003**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
Comunidad Autónoma De Madrid	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Positional Cloning Of T. Monococcum Vernalization Genes**

Descripción del proyecto:

**Vernalization genes Vrn-1 and Vrn-2 are the main genes in wheat and barley controlling genetic variation in sensitivity to low temperature for the initiation of floral development. The Vrn-2 plays a central role in the repression of flowering in temperate cereals, being dominant for the winter growth habit and epistatic to Vrn-1. The Vrn-Am2 locus was mapped on the distal region of chromosome 5A of T. monococcum using a high-resolution F2 population (1134 gametes). RFLP marker UCW2 was completely linked to Vrn-2, 1 cM distal to WG199 (11 recombinant plants) and 1.3 cM proximal to AFLP marker E42M31 (15 recombinant plants). A chromosome walk was initiated from UCW2 in both directions, using this clone to screen barley and T. monococcum BAC libraries. Contigs were constructed in the barley and wheat and new markers were generated from low-copy number fragments sub-cloned from BACs. Using the subset of 26 recombinant plants markers UCW1 and UCW2 were mapped 0.1 cM distal**



and proximal to Vrn-2 respectively. These two markers were located within a single 100-kb BAC in barley but in still separate contigs in T. monococcum indicating a larger physical distance in wheat compared to barley. The barley BAC is believed to encompass the Vrn-2 genes in and is being sequenced.

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Dolares**

Monto total: **300000.00**

Fecha desde: **07-1999**

Fecha hasta: **06-2000**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
United States Department Of Agriculture	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Positional Cloning Of The Rxcmm Gene That Confers Extreme Resistance Against All Strains Of PVX In Solanum commersonii**

Descripción del proyecto:

El clonado de genes de plantas que confieren resistencia a patógenos es un área de estudio de suma importancia actual, tanto desde el punto de vista científico como por su posible aprovechamiento. Más de una docena de genes han sido clonado en los últimos años. Estos confieren resistencia a distintos fitopatógenos (virus, bacterias, hongos, nematodos, y áfidos) pero sin embargo presentan molecularmente una estructura similar. Solo dos genes de resistencia a virus han sido clonado, el gen N de tabaco que confiere resistencia a TMV y el Rxdg de resistencia a PVX. Hemos identificado en el germoplasma de Solanum commersonii un gen, denominado Rxcmm, que confiere resistencia extrema a todas las cepas de PVX, incluyendo las cepas hipervirulentas HB y MS. Nuestros estudios en protoplastos sugieren que el mecanismo de resistencia es inducible y sus efectos se manifiestan a las 10-15 h post-infección. Con el objetivo de clonar este gen asistidos por marcadores moleculares, se generó y caracterizó una población segregante de 300 individuos. En esta se aplicaron marcadores AFLP en combinación con el análisis de segregantes en masa (bulk segregant analysis), obteniéndose marcadores ligados al alelo de resistencia y al de susceptibilidad. El más próximo se halla a 10% de recombinación del alelo de resistencia. El presente proyecto propone: a) la creación y caracterización de una nueva población segregante de más de 1000 individuos, b) la obtención de nuevos marcadores moleculares ligados a menos de un cM del alelo de resistencia, c) la obtención de una genoteca en vector BAC de S. commersonii, d) el clonado posicional del gen Rxcmm, f) la caracterización molecular del gen Rxcmm.

Campo aplicación:

Función desempeñada: **Co-director**

Moneda: **Pesos**

Monto total: **150000.00**

Fecha desde: **01-1999**

Fecha hasta: **12-2001**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLOGICA	No	No	100

Tipo de financiamiento:

Título o denominación del proyecto:

**Sunflower Genomics: Development Of Molecular Markers And Genetics Maps**

Descripción del proyecto:

Sunflower is the Argentinas second oilseed crop with an annual production of approximately 6.000.000-ton. A strong seed market that commercializes 12.000 ton per year supports this high production. Concerning the last one, a reliable system for the protection of plant varieties is indispensable to ensure return on research investment for public and privately institution. The identification of plant varieties for purposes of patenting is based on a number morphological data such as flower colors, plant morphology and disease resistance. Nowadays, the increment of commercialized varieties of particular species has limited the capacity of the conventional descriptors for the unambiguously identification of new accessions. In this context, DNA based markers have begun to provide a promising alternative to supplement and refine the morphologicalbased classification. Nevertheless, the potentially utility of molecular markers for varietal description and judication of plant infringement is still controversial. International debate revolves around the use of neutral and selectable markers in the field of plant variety identification. In order to provide public and private sectors the modern technologies that have been developed and applied at international level, we propose the present project which principal outputs involve the acquisition of a set molecular tools potentially useful for the complementation of the conventional system for variety identification. The set referred above comprise Express Sequence Tags (ESTs) as neutral and selectable markers. ESTs, they can be considered as selectable

markers as regard they are the DNA copies of the mRNAs present in the studied species and eventually the responsiveness for the morphological characters which are currently used in varieties identification.

Finally, the other goal of this project that is to build a genetic map for cultivated sunflower of selected EST coding loci, will be useful for the standpoint of understanding genome organization, as a platform for map-based cloning, and for quantitative trait locus (QTL) detection.

Campo aplicación:

Función desempeñada:

Moneda: **Pesos**

Monto total: **300000.00**

Fecha desde: **01-1999**

Fecha hasta: **12-2001**

Institución:

Institución	Ejecuta	Evalua	% Financia
MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLOGICA	No	No	100

#### ■ **DOCENCIA - Nivel superior universitario y/o posgrado:**

Fecha inicio: **01-2011**

Hasta: **03-2013**

Institución:

**UNIV.NAC.DE CUYO / FAC.DE CS.AGRARIAS / DTO.DE BIOMATEMATICA Y FISICOQUIMICA**

Cargo: **Profesor Adjunto**

Tipo de cargo: **Rentado**

Dedicación:

Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de grado**

Actividades curriculares:

Fecha inicio: **11-2010**

Hasta: **11-2010**

Institución:

**PROBIOL DOCTORADO CIENCIAS BIOLOGICAS**

Cargo: **PROFESOR-COORDINADOR**

Tipo de cargo: **Ad Honorem**

Dedicación: **Parcial**

Dedicación horaria semanal: **40 horas o más**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de posgrado/doctorado**

Actividades curriculares:

Actividad	Profesor responsable
Genómica Estructural y Funcional, Análisis de expresión de genes	PROFESOR TITULAR

Fecha inicio: **08-2010**

Hasta: **08-2010**

Institución:

**PROBIOL DOCTORADO CIENCIAS BIOLOGICAS**

Cargo: **Profesor Invitado**

Tipo de cargo: **Ad Honorem**

Dedicación: **Parcial**

Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de posgrado/doctorado**

Actividades curriculares:

Actividad	Profesor responsable
Curso de Biología Celular y Molecular	PROFESOR RESPONSABLE

Fecha inicio: **05-2010**

Hasta: **05-2010**

Institución:

**BIOLOGÍA GENERAL**

Cargo: **Profesor Invitado**

Tipo de cargo: **Ad Honorem**

Dedicación: **Parcial**

Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de grado**

Actividades curriculares:

Actividad	Profesor responsable
Plantas Transgénicas	PROFESOR RESPONSABLE

Fecha inicio: **11-2009**

Hasta: **11-2009**

Institución:

**MAESTRÍA EN VITICULTURA Y ENOLOGÍA**

Cargo: **Profesor Instructor**

Tipo de cargo: **Ad Honorem**

Dedicación: **Parcial**

Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de posgrado/maestría**

Actividades curriculares:

Actividad	Profesor responsable
Genética de la Vid	PROFESOR RESPONSABLE

Fecha inicio: **11-2009**

Hasta: **11-2009**

Institución:

**BIOLOGÍA MOLECULAR Y CELULAR**

Cargo: **Profesor Invitado**

Tipo de cargo: **Ad Honorem**

Dedicación: **Parcial**

Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de grado**

Actividades curriculares:

Actividad	Profesor responsable
Plantas Transgénicas	PROFESOR RESPONSABLE

Fecha inicio: **06-2009**

Hasta: **06-2009**

Institución:

**PROBIOL DOCTORADO CIENCIAS BIOLOGICAS**

Cargo: **Profesor Instructor**

Tipo de cargo: **Ad Honorem**

Dedicación: **Parcial**

Dedicación horaria semanal: **De 20 hasta 39 horas**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de posgrado/doctorado**

Actividades curriculares:

Actividad	Profesor responsable
SISTEMATICA MOLECULAR DE PLANTAS	PROFESOR RESPONSABLE

Fecha inicio: **02-2009**

Hasta: **12-2010**

Institución:

**UNIV.NAC.DE CUYO / FAC.DE CS.AGRARIAS / DTO.DE BIOMATEMATICA Y FISICOQUIMICA / CAT.DE QUIMICA ORGANICA Y BIOLOGICA**

Cargo: **Jefe de Trabajos Prácticos**

Tipo de cargo: **Rentado**

Dedicación: **Simple**

Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**

Condición: **Interino**

Nivel educativo:

**Universitario de grado**

Actividades curriculares:

Actividad	Profesor responsable
CAT.DE QUIMICA ORGANICA Y BIOLOGICA	PROFESOR RESPONSABLE

---

Fecha inicio: **04-2007** Hasta: **04-2007**  
Institución:  
**Licenciatura en Biotecnología. Universidad Francisco de Vitoria. Madrid**  
Cargo: **Profesor Invitado en asignatura Genómica** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de grado**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **04-2005** Hasta: **04-2005**  
Institución:  
**Agencia Española de Cooperación Internacional (AECI)**  
Cargo: **Profesor Curso de Formación de Formadores** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **De 20 hasta 39 horas**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/doctorado**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **09-2003** Hasta: **04-2004**  
Institución:  
**Doctorado Biología Molecular de Plantas. Dpto. Biología. Facultad de Ciencias. UAM. Madrid**  
Cargo: **Profesor** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/doctorado**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **11-2000** Hasta: **11-2000**  
Institución:  
**INST.NAC.DE TECNOLOGIA AGROPECUARIA / COORDINACION NAC.DE INVES.Y DESARROLLO TECNOLOGICO / CENTRO DE INVEST.DE CS.VETERINARIAS Y AGRONOMICAS / INST.DE BIOTECNOLOGIA**  
Cargo: **Profesor Marcadores Moleculares y su** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **40 horas o más**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/doctorado**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **11-2000** Hasta: **04-2001**  
Institución:  
**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE CS.EXACTAS Y NATURALES**  
Cargo: **JTP** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de grado**  
Actividades curriculares:

---

---

Fecha inicio: **03-2000** Hasta: **04-2000**  
Institución:  
**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE CS.VETERINARIAS**  
Cargo: **Profesor "Introducción a la genética molecular"** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **40 horas o más**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/maestría**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **07-1999** Hasta: **08-1999**  
Institución:  
**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE CS.EXACTAS Y NATURALES**  
Cargo: **Profesor Fitopatología Molecular** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/doctorado**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **04-1996** Hasta: **04-1996**  
Institución:  
**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE CS.VETERINARIAS**  
Cargo: **JTP "Introducción a la genética molecular"** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **40 horas o más**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/maestría**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **05-1995** Hasta: **06-1995**  
Institución:  
**INST.NAC.DE TECNOLOGIA AGROPECUARIA / COORDINACION NAC.DE INVES.Y DESARROLLO TECNOLOGICO / CENTRO DE INVEST.DE CS.VETERINARIAS Y AGRONOMICAS / INST.DE BIOTECNOLOGIA**  
Cargo: **JTP "Biotecnología Agrícola"** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **40 horas o más**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/doctorado**  
Actividades curriculares:

---

Fecha inicio: **11-1993** Hasta: **11-1993**  
Institución:  
**CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS / INST.DE INVEST.EN ING.GENETICA Y BIOL.MOLECULAR "DR. HECTOR N TORRES"**  
Cargo: **JTP "Aplicaciones de las Biotecnologías"** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **De 20 hasta 39 horas**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de posgrado/doctorado**  
Actividades curriculares:

---

---

Fecha inicio: **10-1986** Hasta: **03-1991**  
Institución:  
**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE AGRONOMIA / DTO.DE BIOLOGIA APLICADA Y ALIMENTOS / CAT. DE GENÉTICA**  
Cargo: **Ayudante segundo** Tipo de cargo:  
Dedicación: Dedicación horaria semanal: **De 0 hasta 19 horas**  
Condición:  
Nivel educativo:  
**Universitario de grado**  
Actividades curriculares:

---

■ **FORMACION DE TESIS:**

---

Año desde: **1997** Año hasta: **2001**  
Nombre/s: **FERNANDO OSCAR** Apellido/s: **CARRARI**  
Institución otorgante del título:  
**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE CS.EXACTAS Y NATURALES**  
Tipo de trabajo dirigido: **Tesis de Doctorado** Calificación obtenida: **SOBRESALI**  
Función desempeñada: **Co-director o co-tutor**

---

Año desde: **2009** Año hasta:  
Nombre/s: **Melisa** Apellido/s: **Lanza Volpe**  
Institución otorgante del título:  
**PROBIOL DOCTORADO CIENCIAS BIOLOGICAS**  
Tipo de trabajo dirigido: **Tesis de Doctorado** Calificación obtenida:  
Función desempeñada: **Co-director o co-tutor**

---

Año desde: **2010** Año hasta:  
Nombre/s: **Claudio** Apellido/s: **Muñoz**  
Institución otorgante del título:  
**PROBIOL DOCTORADO CIENCIAS BIOLOGICAS**  
Tipo de trabajo dirigido: **Tesis de Doctorado** Calificación obtenida:  
Función desempeñada: **Director o tutor**

---

Año desde: **2011** Año hasta:  
Nombre/s: **Constanza Soledad** Apellido/s: **Chialva**  
Institución otorgante del título:  
**PROBIOL DOCTORADO CIENCIAS BIOLOGICAS**  
Tipo de trabajo dirigido: **Tesis de Doctorado** Calificación obtenida:  
Función desempeñada: **Director o tutor**

---

Año desde: **2010** Año hasta:  
Nombre/s: **Cecilia** Apellido/s: **Grissi**  
Institución otorgante del título:  
**UNIV.NAC.DE SAN LUIS / FAC.DE QUIMICA, BIOQUIMICA Y FARMACIA / DTO.DE BIOQUIMICA Y CS.BIOLOGICAS / AREA DE BIOLOGIA MOLECULAR**  
Tipo de trabajo dirigido: **Tesina o trabajo final de Grado** Calificación obtenida:  
Función desempeñada: **Director o tutor**

---

---

Año desde: <b>2008</b>	Año hasta: <b>2011</b>
Nombre/s: <b>Lorena</b>	Apellido/s: <b>Almagro Romero</b>
Institución otorgante del título: <b>DEPARTAMENTO DE BIOLOGÍA VEGETAL, FACULTAD DE BIOLOGÍA</b>	
Tipo de trabajo dirigido: <b>Tesis de Doctorado</b>	Calificación obtenida: <b>SOBRESALI</b>
Función desempeñada: <b>Co-director o co-tutor</b>	

---

Año desde: <b>2012</b>	Año hasta:
Nombre/s: <b>Carina Verónica</b>	Apellido/s: <b>Gonzalez</b>
Institución otorgante del título: <b>UNIV.NAC.DE CUYO</b>	
Tipo de trabajo dirigido: <b>Tesis de Doctorado</b>	Calificación obtenida:
Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>	

---

■ **FORMACION DE BECARIOS:**

Año desde: <b>2010</b>	Año hasta:
Nombre/s: <b>Claudio Javier</b>	Apellido/s: <b>Muñoz</b>
Institución de trabajo del becario: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS / CTRO.CIENTIFICO TECNOL.CONICET - MENDOZA / INST.DE BIOLOGIA AGRICOLA DE MENDOZA</b>	
Institución financiadora de la beca: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS</b>	
Tipo de tareas: <b>Formación académica incluyendo la</b>	Tipo de beca: <b>Iniciación a la Investigación</b>
Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>	

---

Año desde: <b>2011</b>	Año hasta:
Nombre/s: <b>Constanza Soledad</b>	Apellido/s: <b>Chialva</b>
Institución de trabajo del becario: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS / CTRO.CIENTIFICO TECNOL.CONICET - MENDOZA / INST.DE BIOLOGIA AGRICOLA DE MENDOZA</b>	
Institución financiadora de la beca: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS</b>	
Tipo de tareas: <b>Formación académica incluyendo la</b>	Tipo de beca: <b>Iniciación a la Investigación</b>
Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>	

---

Año desde: <b>2012</b>	Año hasta:
Nombre/s: <b>MELISA</b>	Apellido/s: <b>LANZA VOLPE</b>
Institución de trabajo del becario: <b>INST.NAC.DE TECNOLOGIA AGROPECUARIA / CENTRO REG.CUYO MENDOZA-SAN JUAN / ESTACION EXPTAL.AGROP.MENDOZA / LAB.DE FITOVIROLOGIA</b>	
Institución financiadora de la beca: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS</b>	
Tipo de tareas: <b>Formación académica incluyendo la</b>	Tipo de beca: <b>Postgrado/Doctorado</b>
Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>	

---



---

Año desde: <b>2012</b>	Año hasta:
Nombre/s: <b>Lorena</b>	Apellido/s: <b>Almagro Romero</b>
Institución de trabajo del becario: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS / CTRO.CIENTIFICO TECNOL.CONICET - MENDOZA / INST.DE BIOLOGIA AGRICOLA DE MENDOZA</b>	
Institución financiadora de la beca: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS</b>	
Tipo de tareas: <b>Tareas de investigación y desarrollo</b>	Tipo de beca: <b>Postdoctoral</b>
Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>	

---

Año desde: <b>2012</b>	Año hasta:
Nombre/s: <b>Carina Verónica</b>	Apellido/s: <b>Gonzalez</b>
Institución de trabajo del becario: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS / CTRO.CIENTIFICO TECNOL.CONICET - MENDOZA / INST.DE BIOLOGIA AGRICOLA DE MENDOZA</b>	
Institución financiadora de la beca: <b>CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS</b>	
Tipo de tareas: <b>Formación académica incluyendo la</b>	Tipo de beca: <b>Postgrado/Doctorado</b>
Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>	

---

■ **FORMACION DE INVESTIGADORES:**

Año desde: <b>2008</b>	Año hasta: <b>2009</b>
Nombre/s: <b>Rita</b>	Apellido/s: <b>Francisco</b>
Institución de trabajo: <b>Instituto de Tecnología Química e Biológica, Oeiras, Portugal</b>	
Carrera:	Categoría:
Otro cargo/función:	Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>

---

Año desde: <b>2005</b>	Año hasta: <b>2007</b>
Nombre/s: <b>José Antonio</b>	Apellido/s: <b>Cabezas</b>
Institución de trabajo: <b>Centro Nacional de Biotecnología-CSIC, España</b>	
Carrera:	Categoría:
Otro cargo/función:	Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>

---

Año desde: <b>2007</b>	Año hasta: <b>2009</b>
Nombre/s: <b>José</b>	Apellido/s: <b>Díaz-Riquelme</b>
Institución de trabajo: <b>Centro Nacional de Biotecnología-CSIC, España</b>	
Carrera:	Categoría:
Otro cargo/función:	Función desempeñada: <b>Co-director o co-tutor</b>

---

Año desde: <b>2008</b>	Año hasta: <b>2008</b>
Nombre/s: <b>Jose Carlos</b>	Apellido/s: <b>Santana Pérez</b>
Institución de trabajo: <b>Universidad de Valladolid, España</b>	
Carrera:	Categoría:
Otro cargo/función:	Función desempeñada: <b>Director o tutor</b>

---

Año desde: **1995**

Nombre/s: **María Carolina**

Institución de trabajo:

**INTA Cartelar**

Carrera:

Otro cargo/función:

Año hasta: **1997**

Apellido/s: **Martínez**

Categoría:

Función desempeñada: **Director o tutor**

Año desde: **1999**

Nombre/s: **María Carolina**

Institución de trabajo:

**INTA Cartelar**

Carrera:

Otro cargo/función:

Año hasta: **2001**

Apellido/s: **Martínez**

Categoría:

Función desempeñada: **Co-director o co-tutor**

#### ■ ACTIVIDADES DE DIVULGACION:

Título: **Genética del color de la uva**

Co-Autores:

Año: **2009**

Función desempeñada: **Conferencista/expositor/entrevistado individual**

Descripción:

**El color de la uva es un carácter importante en la elaboración del vino y para las variedades de uva de mesa. En la vid existe gran diversidad genética para este carácter entre distintas variedades y dentro del mismo tipo varietal. El análisis genético ha identificado un locus en el cromosoma 2 de la vid como responsable del color y en él un gen de la familia MYB que regula la ruta de síntesis de pigmentos en el hollejo. Conocer las variantes de este gen y su relación con el color de la uva podría permitir la selección de nuevas variedades o clones con distinto color.**

Medios divulgación:

Tipo de medio	Nombre de medio	Lugar de realización	Part.
Conferencia /debate público	Ciclo de Conferencias 2009	Instituto de Ciencias Básicas. UNCuyo	No

Tipos de destinatario:

**Comunidad científica, Comunidad educativa**

Fuentes de financiamiento:

**Sin financiamiento específico**

Título: **Nuevas herramientas para una añeja ciencia**

Co-Autores:

Año: **2009**

Función desempeñada: **Conferencista/expositor/entrevistado individual**

Descripción:

**Ciclo de charlas para estudiantes de los últimos años de carrera**

Medios divulgación:

Tipo de medio	Nombre de medio	Lugar de realización	Part.
Conferencia /debate público	Simposio de Biología Molecular Vegetal	Universidad Nacional de San Luis	No

Tipos de destinatario:

**Comunidad científica, Comunidad educativa**

Fuentes de financiamiento:

**Sin financiamiento específico**Titulo: **Genética del color de la uva**

Co-Autores:

Año: **2008**

Función desempeñada:

Descripción:

**El color de la uva es un carácter importante en la elaboración de vino. En la vid existe gran diversidad genética para este carácter entre distintas variedades y dentro del mismo tipo varietal. El análisis genético ha identificado un locus en el cromosoma 2 de la vid como responsable del color y en él un gen de la familia MYB que regula la ruta de síntesis de pigmentos en el hollejo. Conocer las variantes de este gen y su relación con el color de la uva puede permitir la selección de nuevas variedades o clones con distinto color.**

Medios divulgación:

Tipo de medio	Nombre de medio	Lugar de realización	Part.
Prensa escrita	VinoTeQ, 41:18-21	Bilbao	No

Tipos de destinatario:

Fuentes de financiamiento:

**■ ACTIVIDADES DE EVALUACION - Evaluación de personal CyT y jurado de tesis y/o premios:**Tipo de personal evaluado: **Jurado de tesinas, trabajos finales y/o tesis**Año inicio: **2010**

Año fin:

Institución convocante:

**UNIV.NAC.DE CUYO / FAC.DE CS.AGRARIAS**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad:

Observaciones:

**Tesis Doctoral de la Lic. María M.SANCE. Probiol**Tipo de personal evaluado: **Jurado de tesinas, trabajos finales y/o tesis**Año inicio: **2012**

Año fin:

Institución convocante:

**UNIV.NAC.DEL LITORAL / FAC.DE BIOQUIMICA Y CIENCIAS BIOLOGICAS**

Rol evaluador:

Pais: **Argentina**Ciudad: **Santa Fe**

Observaciones:

**Jurado de Tesis Doctoral**Tipo de personal evaluado: **Evaluación de investigadores**Año inicio: **2012**

Año fin:

Institución convocante:

**CONSEJO NAC.DE INVEST.CIENTIF.Y TECNICAS**Rol evaluador: **Par consultor**Pais: **Argentina**

Ciudad:

Observaciones:

**Ingresos CIC**Tipo de personal evaluado: **Evaluación de becarios**Año inicio: **2010**Año fin: **2010**

Institución convocante:

**UNIV.DE BUENOS AIRES / FAC.DE AGRONOMIA / ESCUELA PARA GRADUADOS**

Rol evaluador:

Pais: **Argentina**

Ciudad: **Buenos Aires**

Observaciones:

**Evaluación del Proyectos de Tesis Doctorado de la Universidad de Buenos Aires, Área Ciencias Agropecuarias**

Tipo de personal evaluado: **Jurado de tesinas, trabajos finales y/o tesis**

Año inicio: **2011**

Año fin:

Institución convocante:

**UNIV.NAC.DE CUYO / FAC.DE CS.AGRARIAS / DTO.DE CS. BIOLOGICAS**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad:

Observaciones:

■ **ACTIVIDADES DE EVALUACION - Evaluación de programas/proyectos de I+D y/o extensión:**

Año inicio: **2011**

Año fin: **2011**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

**Proyectos de investigación aplicada, Proyectos de investigación básica**

Institución convocante:

**AGENCIA NACIONAL DE EVALUACIÓN Y PROSPECTIVA-MICINN**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad: **España**

Observaciones:

Año inicio: **2008**

Año fin: **2008**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

**Proyectos de investigación aplicada, Proyectos de desarrollo experimental o tecnológico, Proyectos de investigación básica**

Institución convocante:

**AGENCIA NACIONAL DE EVALUACIÓN Y PROSPECTIVA-MICINN**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad: **España**

Observaciones:

Año inicio: **2010**

Año fin: **2010**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

Institución convocante:

**FONDEF-CONICYT**

Rol evaluador:

Pais: **Chile**

Ciudad: **Santiago**

Observaciones:

Año inicio: **2011**

Año fin: **2011**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

**Proyectos de investigación básica, Proyectos de investigación aplicada**

Institución convocante:

**FONDEF-CONICYT**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad:

Observaciones:

Año inicio: **2009**

Año fin: **2009**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

**Proyectos de investigación básica, Proyectos de investigación aplicada, Proyectos de desarrollo experimental o tecnológico**

Institución convocante:

**INST.NAC.DE TECNOLOGIA AGROPECUARIA**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad:

Observaciones:

Año inicio: **2008**

Año fin: **2008**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

**Proyectos de investigación básica, Proyectos de investigación aplicada**

Institución convocante:

**MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLÓGICA**

Rol evaluador:

Pais: **Argentina**

Ciudad:

Observaciones:

Año inicio: **2002**

Año fin: **2002**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

Institución convocante:

**MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLÓGICA**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad:

Observaciones:

Año inicio: **2003**

Año fin: **2003**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

Institución convocante:

**MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLÓGICA**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad:

Observaciones:

Año inicio: **2010**

Año fin: **2010**

Tipos de programas/proyecto evaluados:

**Proyectos de desarrollo experimental o tecnológico, Proyectos de investigación básica, Proyectos de investigación aplicada**

Institución convocante:

**MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLÓGICA / FONDO PARA LA INVESTIGACION CIENT Y TECNOLÓGICA**

Rol evaluador:

Pais:

Ciudad:

Observaciones:

**PICT**

Año inicio: **2011**

Año fin:

Tipos de programas/proyecto evaluados:

**Proyectos de investigación aplicada, Proyectos de investigación básica**

Institución convocante:

**MINISTERIO DE CIENCIA, TEC E INNOVACION PRODUCTIVA / AGENCIA NACIONAL DE PROMOCION CIENT Y TECNOLÓGICA / FONDO PARA LA INVESTIGACION CIENT Y TECNOLÓGICA**

Rol evaluador:

Pais: **Argentina**

Ciudad:

Observaciones:

---

■ **ACTIVIDADES DE EVALUACION - Evaluación de trabajos en revistas CyT:**

Título de la revista: **Australian Journal of Botany**

País: **Australia**

Ciudad:

ISSN:

Web:

Año inicio: **2007**

Año fin: **2007**

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

---

Título de la revista: **BMC Genomics**

País: **Reino Unido**

Ciudad:

ISSN:

Web:

Año inicio: **2008**

Año fin: **2008**

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

---

Título de la revista:

País: **Reino Unido**

Ciudad:

ISSN:

Web:

Año inicio: **2009**

Año fin: **2009**

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

---

Título de la revista: **Plant Growth Regulation**

País: **Alemania**

Ciudad:

ISSN:

Web:

Año inicio: **2008**

Año fin: **2008**

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

---

Título de la revista: **BMC Plant Biology**

País: **Reino Unido**

Ciudad:

ISSN:

Web:

Año inicio: **2009**

Año fin: **2009**

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

---

Título de la revista: **BMC Genomics**

País: **Reino Unido**

Ciudad:

ISSN:

Web: **http://**

Año inicio: **2011**

Año fin: **2011**

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

---

Título de la revista: **Plant Biology**

País: **Alemania**

Ciudad:

ISSN:

Web: **http://**

Año inicio: **2011**

Año fin: **2011**

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

---

Título de la revista: **Environmental and Experimental Botany**

País: **Países Bajos**

Ciudad:

ISSN:

Web: <http://ees.elsevier.com/eeb/default.asp>

Año inicio: **2012**

Año fin:

Función desempeñada: **Referato, árbitro o revisor externo**

Observaciones:

#### ■ **ACTIVIDADES DE EVALUACION - Evaluación institucional:**

Tipo de evaluación institucional: **Proyectos institucionales o evaluación institucional externa**

Año inicio: **2011**

Año fin: **2011**

Institución convocante:

**AGENCIA NACIONAL DE EVALUACIÓN Y PROSPECTIVA**

Rol evaluador:

País: **España**

Ciudad:

Observaciones:

Ámbito del plan o política evaluado:

Otro ámbito:

Institución evaluada:

**CENTRO DE BIOTECNOLOGÍA Y GENÓMICA DE PLANTAS**

#### ■ **ACTIVIDADES DE EVALUACION - Otro tipo de evaluación:**

Tipo de evaluación: **Miembro Comision Admision al Doctorado**

Año inicio: **2010**

Año fin:

Institución convocante:

**UNIV.NAC.DE CUYO / PROBIOL DOCTORADO CIENCIAS BIOLOGICAS**

País:

Ciudad:

Observaciones:

### OTROS ANTECEDENTES

#### ■ **DATOS ACADEMICOS:**

Gran area del conocimiento: **Ciencias Agrarias, de la Ingeniería y de Materiales**

Disciplina primaria: **KA1 - Ciencias Agrarias**

Disciplina secundaria:

Disciplina desagregada:

A) **AGRONOMIA Y DASONOMIA-FITOTECNIA**

B)

Campo aplicación:

A) **Produccion vegetal**

B)

Especialidad: **GENETICA DE PLANTAS -FISIOLOGIA VEGETAL**

Título del tema de investigación: **REGULACION DE LA PRODUCCION DE RESVERATROL Y FITOALEXINAS RELACIONADAS EN VID. VARIACION GENETICA NATURAL Y RESPUESTA A FACTORES BIOTICOS Y ABIOTICOS**



Resumen del tema de investigación:

La vid es el cultivo frutícola de mayor importancia económica a nivel mundial y uno de los principales de Argentina. Las uvas se producen para su consumo como fruta fresca, pasas, en la elaboración de jugos y son también la base de productos de alto valor añadido como los vinos y otras bebidas alcohólicas. El continuo propósito de reducir el impacto de los tratamientos con plaguicidas y fungicidas está despertando un renovado interés por la mejora de las variedades de uva de vinificación y de nuevas variedades de uva de mesa, por lo cual es determinante dilucidar los mecanismos de defensa de la vid, en los cuales las fitoalexinas (y el resveratrol en particular) juegan un importante rol. Por otro lado, el valor nutracéutico de resveratrol, debido a sus propiedades antioxidantes y anticolesterolémicas, está recibiendo una importante difusión en los últimos años. La finalidad del presente proyecto es desarrollar un conocimiento global de la producción y acumulación de fitoalexinas, particularmente de resveratrol. Se analizarán aspectos genéticos, genómicos, moleculares y fisiológicos de la regulación de la producción y acumulación de resveratrol en vid, debido tanto a diferencias genotípicas como a la respuesta frente a factores bióticos y abióticos. Para esto se realizarán ensayos con plantas y cultivos celulares de vid con el objetivo de estudiar la regulación genética de la familia génica STS, cuyos miembros son responsables de la biosíntesis de resveratrol.

Palabras clave:

- 1 - VITIS VINIFERA
- 2 - RESVERATROL
- 3 - GENÉTICA Y GENÓMICA

Título del tema de investigación (inglés): **Genetic regulation of resveratrol accumulation in grapevine. Natural genetic variation and response to different stress**

Palabras clave (inglés):

- 1 - VITIS VINIFERA
- 2 - RESVERATROL
- 3 - GENETICS & GENOMICS

#### ■ PARTICIPACION U ORGANIZACION DE EVENTOS CIENTIFICO-TECNOLOGICOS:

Nombre del evento: **SAVE2011 1er Simposio Argentino de Viticultura y Enología Hacia una vitivinicultura**

Tipo de evento: **Simposio**

Alcance geográfico: **Nacional**

País: **Argentina**

Ciudad: **MENDOZA**

Año: **2011**

Modo de participación:

**Presentador de póster, Conferencista, Miembro del comité científico-tecnológico, Coordinador/moderador (comisión/ mesa/panel)**

Institución organizadora:

**INST.NAC.DE TECNOLOGIA AGROPECUARIA**

Nombre del evento: **VIII Simposio Nacional de Biotecnología REDBIO Argentina 2011 La Biotecnología entre**

Tipo de evento: **Simposio**

Alcance geográfico: **Nacional**

País: **Argentina**

Ciudad: **MENDOZA**

Año: **2011**

Modo de participación:

**Conferencista, Miembro del comité científico-tecnológico**

Institución organizadora:

**REDBIO ARGENTINA ASOCIACIÓN CIVIL**

Nombre del evento: **XLVII Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación en Bioquímica y Biología**

Tipo de evento: **Congreso**

Alcance geográfico: **Nacional**

País: **Argentina**

Ciudad: **San Luis**

Año: **2011**

Modo de participación:

**Conferencista**

Institución organizadora:

**SOCIEDAD ARGENTINA DE INVESTIGACIÓN EN BIOQUÍMICA Y BI**

## PRODUCCION CIENTIFICA

### ■ ARTICULOS:

BELCHI-NAVARRO, S; ALMAGRO, L; LIJAVETZKY, D; BRU, R; PEDRENO, MA. Strategies to enhance trans-resveratrol production using elicited grapevine cell cultures cv Monastrell. *PLANT CELL REPORTS*.: SPRINGER. 2012 vol.31 n°. p81 - 89.

LIJAVETZKY, D; CARBONELL BEJERANO, P; GRIMPLET, J; BRAVO, G; FLORES, P; HELLÍN, P; FENOLL, J; OLIVEROS, JC; MARTINEZ-ZAPATER, JM. Berry Flesh and Skin Ripening Features in *Vitis vinifera* as Assessed by Transcriptional Profiling. *PLOS ONE*.San Francisco: PUBLIC LIBRARY SCIENCE. 2012 vol.7 n°6. p1 - 15.

MARTÍNEZ-ESTESO, MJ; SELLÉS-MARCHART, S; LIJAVETZKY, D; PEDRENO, MA; BRU-MARTÍNEZ, R. A DIGE-based quantitative proteomic analysis of grape berry flesh development and ripening reveals key events in sugar and organic acid metabolism. *JOURNAL OF EXPERIMENTAL BOTANY*.: OXFORD UNIV PRESS. 2011 vol.62 n°. p2521 - 2569.

CABEZAS, JA; IBANEZ, J; LIJAVETZKY, D; VELEZ, D; BRAVO, G; RODRIGUEZ, V; CARREÑO, I; JERMAKOW, A; CARRENO, J; RUIZ-GARCIA, L; THOMAS, M; MARTINEZ-ZAPATER, JM. A 48 SNP Set for Grapevine Cultivar Identification. *BMC PLANT BIOLOGY*.: BIOMED CENTRAL LTD. 2011 vol.11 n°153. p1 - 10.

MARTINEZ-ZAPATER, JM; CARMONA, MJ; DIAZ-RIQUELME, J; FERNÁNDEZ, L; LIJAVETZKY, D. Grapevine Genetics after the Genome Sequence: Challenges and Limitations. *Australian Journal of Grape and Wine Research*.: Australian Society of Viticulture and Oenology Inc. 2010 vol.16 n°. p33 - 46. issn 1322-7130

PONTIN, M; PICCOLI, P; FRANCISCO, R; BOTTINI R; MARTINEZ-ZAPATER, JM; LIJAVETZKY, D. Transcriptome changes in grapevine (*Vitis vinifera* L.) cv. Malbec leaves induced by ultraviolet-B radiation. *BMC PLANT BIOLOGY*.: BIOMED CENTRAL LTD. 2010 vol.10 n°224. p1 - 13.

DIAZ-RIQUELME, J; LIJAVETZKY, D; MARTINEZ-ZAPATER, JM; CARMONA, MJ. Genome-Wide Analysis of MIKCC-Type MADS-Box Genes in Grapevine. *PLANT PHYSIOLOGY*.: AMER SOC PLANT BIOLOGISTS. 2009 vol.149 n°1. p354 - 369.

LIJAVETZKY, D; ALMAGRO, L; BELCHI-NAVARRO, S; MARTINEZ-ZAPATER, JM; BRU, R; PEDRENO, MA. Synergistic effect of methyljasmonate and cyclodextrin on stilbene biosynthesis pathway gene expression and resveratrol production in Monastrell grapevine cell cultures. *BMC Research Notes*.: . 2008 vol.1 n°132. p1 - 8. issn 1756-0500

LIJAVETZKY, D; CABEZAS, JA; IBANEZ, A; RODRIGUEZ, V; MARTINEZ-ZAPATER, JM. High throughput SNP discovery and genotyping in grapevine (*Vitis vinifera* L.) by combining a re-sequencing approach and SNPlex technology. *BMC Genomics*.: . 2007 vol.8 n°424. p1 - 11.

PENG, FY; REID, KE; LIAO, N; SCHLOSSER, J; LIJAVETZKY, D; HOLT, R; MARTINEZ-ZAPATER, JM; JONES, S; MARRA, M; BOHLMANN, J; LUND, ST. Generation of ESTs in *Vitis vinifera* wine grape (Cabernet Sauvignon) and table grape (Muscat Hamburg) and discovery of new candidate genes with potential roles in berry development. *GENE*.: . 2007 vol.402 n°. p40 - 50.

LIJAVETZKY, D; RUIZ-GARCIA, L; CABEZAS, JA; DE ANDRES, MT; BRAVO, G; IBANEZ, A; CARRENO, J; CABELLO, F; IBANEZ, J; MARTINEZ-ZAPATER, JM. Molecular genetics of berry colour variation in table grape. *MOLECULAR GENETICS AND GENOMICS*.: . 2006 vol.276 n°. p427 - 435.

LIJAVETZKY, D; CARBONERO, P; VICENTE-CARBAJOSA, J. Genome-wide comparative phylogenetic analysis of the rice and *Arabidopsis* Dof gene families. *BMC Evolutionary Biology*.: . 2003 vol.3 n°17. p1 - 11. issn 1471-2148

HELGUERA, M; KHAN, IA; KOLMER, J; LIJAVETZKY, D; ZHONG-QI, L; DUBCOVSKY, J. PCR assays for the Lr37-Yr17-Sr38 cluster of rust resistance genes and their use to develop isogenic hard red spring wheat lines. *CROP SCIENCE*.: . 2003 vol.43 n°. p1839 - 1847.

CARRARI, F; BENECH-ARNOLD, R; OSUNA-FERNANDEZ, R; HOPP, E; SANCHEZ, R; IUSEM, N; LIJAVETZKY, D. Genetic mapping of the *Sorghum bicolor* vp1 gene and its relationship with preharvest sprouting resistance. *GENOME*.: . 2003 vol.46 n°. p253 - 258.

CARRARI, F; PEREZ-FLORES, L; LIJAVETZKY, D; ENCISO, S; SANCHEZ, R; BENECH-ARNOLD, R; IUSEM, N. Cloning and expression of a sorghum gene with homology to maize vp1. Its potential involvement in pre-harvest sprouting resistance. *PLANT MOLECULAR BIOLOGY*.: . 2001 vol.45 n°. p631 - 640.

CARRARI, F; FRANKEL, N; LIJAVETZKY, D; BENECH-ARNOLD, R; SANCHEZ, R; IUSEM, N. The Tata-less promoter of VP1, a plant gene controlling seed germination. *DNA Sequence*.: . 2001 vol.12 n°. p107 - 114. issn 1042-5179

LIJAVETZKY, D; MARTINEZ, MC; CARRARI, F; HOPP, HE. QTL analysis and mapping of pre-harvest sprouting resistance in sorghum. *EUPHYTICA*.: . 2000 vol.112 n°. p125 - 135.

TRANQUILLI, G; LIJAVETZKY, D; MUZZI, G; DUBCOVSKY, J. Genetic and physical characterization of grain texture-related loci in diploid wheat. *MOLECULAR AND GENERAL GENETICS*.: . 1999 vol.262 n°. p846 - 850.

LIJAVETZKY, D; MUZZI, G; WICKER, T; KELLER, B; WING, R; DUBCOVSKY, J. Construction and characterization of a bacterial artificial chromosome (BAC) library for the A genome of wheat. *GENOME*.: . 1999 vol.42 n°. p1176 - 1182.

DUBCOVSKY, J; LIJAVETZKY, D; APPENDINO, L; TRANQUILLI, G. Comparative RFLP mapping of Triticum monococcum genes controlling vernalization requiremen. *THEORETICAL AND APPLIED GENETICS*.: . 1998 vol.97 n°. p968 - 975.

ROSSI, M; LIJAVETZKY, D; BERNACCHI, D; HOPP, HE; IUSEM, N. Asr genes belong to a gene family comprising at least three closely linked loci on chromosome 4 in tomato. *MOLECULAR AND GENERAL GENETICS*.: . 1996 vol.252 n°. p489 - 492.

#### ■ PARTES DE LIBRO:

BENECH-ARNOLD, R; RODRIGUEZ, V; SANCHEZ, R; CARRARI, F; PEREZ-FLORES, L; OSUNA-FERNANDEZ, R; IUSEM, N; LIJAVETZKY, D; STANELLONI, R; BOTTINI R. *Physiological and molecular aspects of the control of dormancy and germination in developing sorghum caryopses*. The Biology of Seeds: Recent Research Advances. London: CABI Publishing. 2003. p11 - 23. isbn 9780851996530

DUBCOVSKY, J; TRANQUILLI, G; LIJAVETZKY, D; KHAN, IA; SCHLATTER, AR; MANIFESTO, MM; MARCUCCI POLTRI, S. *Advances In Molecular Markers For Bread Making Quality*. Application Of Biotechnologies To Wheat Breeding. Montevideo: CIMMYT. 2000. p57 - 70. isbn 9974-7586-1-0

BENECH-ARNOLD, R; ENCISO, S; SANCHEZ, R; CARRARI, F; PEREZ-FLORES, L; IUSEM, N; STEINBACH, H; LIJAVETZKY, D; BOTTINI R. *Involvement Of ABA And GA In The Regulation Of Dormancy In Developing Sorghum Seeds*. Seed Biology Advances And Applications. London: CABI Publishing. 2000. p101 - 111. isbn 9780851994048

#### ■ TRABAJOS EN EVENTOS CIENTIFICO-TECNOLOGICOS PUBLICADOS:

CHIALVA, CS; ALMAGRO, L; BELCHI-NAVARRO, S; BRU, R; MARTINEZ-ZAPATER, JM; PEDRENO, MA; LIJAVETZKY, D. GENOMIC ANALYSIS OF THE STILBENE SYNTHASE GENE FAMILY THROUGH THE ELICITATION OF GRAPE CELL CULTURES. Argentina. Mendoza. 2011. Revista. Otro. Congreso. XLVII Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación en Bioquímica y Biología Molecular. Sociedad Argentina de Investigación en Bioquímica y Biología Molecular

LIJAVETZKY, D; MUÑOZ, CLAUDIO JAVIER; CHIALVA, CS; GRISSI, CC. GENÉTICA Y GENÓMICA DE LA VID APLICADA AL ESTUDIO DE CARACTERES DE CALIDAD DE LA UVA. Argentina. Mendoza. 2011. Revista. Resumen. Simposio. SAVE2011 1er Simposio Argentino de Viticultura y Enología.

LIJAVETZKY, D; . IDENTIFICACIÓN Y ANÁLISIS DE LA VARIACIÓN GENÉTICA EN VID MEDIANTE HERRAMIENTAS GENÓMICAS.. Argentina. Buenos Aires. 2011. Revista. Otro. Simposio. VIII Simposio Nacional de Biotecnología REDBIO Argentina 2011. REDBIO Argentina

LIJAVETZKY, D; FERNÁNDEZ, L; DIAZ-RIQUELME, J; MARTINEZ-ZAPATER, JM. Cioutat, a somatic variant from Chasselas exhibiting a programmed cell death-like phenotype. . Geneva, New York, USA. 2010. . Resumen. Conferencia. 10th International Conference on Grapevine Breeding and Genetics. Cornell University

IBANEZ, J; CABEZAS, JA; LIJAVETZKY, D; VÉLEZ, D; RUIZ-GARCIA, L; THOMAS, M; RODRIGUEZ, V; BRAVO, G; ZINELABIDINE, LH; MARTINEZ-ZAPATER, JM. IDENTIFICACIÓN RÁPIDA DE VARIEDADES DE VID MEDIANTE NUEVOS MARCADORES DE ADN: SNP. . Logroño, España. 2010. . Otro. Congreso. VII Foro Mundial del Vino.

PONTIN, M; LIJAVETZKY, D; BOTTINI R; MARTINEZ-ZAPATER, JM; PICCOLI, P. La radiación UV-B promueve expresión de genes relacionados con sensibilidad a etileno, giberelinas y auxinas y con el catabolismo de ABA en plantas de vid (*Vitis vinifera* L.) cv. Malbec crecidas in vitro. . Montevideo. Uruguay. 2009. . Resumen. Congreso. XII Congreso Latinoamericano de Viticultura y Enología. Organización Internacional de la Viña y el Vino (OIV)

LIJAVETZKY, D; RUIZ-GARCIA, L; CABEZAS, JA; DE ANDRES, MT; BRAVO, G; IBANEZ, A; MARTINEZ GARCIA, J; VICENTE-RENEO, T; CARRENO, J; CABELLO, F; IBANEZ, J; MARTINEZ-ZAPATER, JM. GENETIC CONTROL OF BERRY SKIN COLOR. . Logroño, España. 2006. . Artículo Completo. Congreso. XXIX Congreso Mundial de la

Viña y el Vino y 4a Asamblea General de la OIV.

#### ■ TRABAJOS EN EVENTOS CIENTIFICO-TECNOLOGICOS NO PUBLICADOS:

MUÑOZ, CLAUDIO JAVIER; TORRES, ROCIO; CORNEJO, PAULA; LIJAVETZKY, D. Identificación y genotipificación varietal de vid, olivo y almendro mediante marcadores moleculares microsatélites y detección por analizadores automáticos de fragmentos de ADN. Argentina. Mendoza. 2011. Congreso. Primer Congreso Nacional de Viveros de vid, frutales de hoja caduca y olivo.

LIJAVETZKY, D; PONTIN, M; BOTTINI R; MARTINEZ-ZAPATER, JM; PICCOLI, P. Transcriptional profile changes in grapevine (*Vitis vinifera* L.) cv. Malbec induced by UV-B radiation. null. Adelaide, Australia. 2008. Simposio. 8th International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology.

LIJAVETZKY, D; FRANCISCO, R; PENG, FY; BRAVO, G; IBANEZ, A; OLIVEROS, JC; LUND, ST; MARTINEZ-ZAPATER, JM. A new GeneChip for grapevine transcriptomic analyses. null. Adelaide, Australia. 2008. Simposio. 8th International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology.

BELCHI-NAVARRO, S; ALMAGRO, L; LIJAVETZKY, D; BRU, R; PEDRENO, MA. Effect of elicitors on stilbene biosynthesis gene expression and resveratrol production in Monastrell grapevine cell cultures. null. Tampere, Finland. 2008. Congreso. XVI Congress of the Federation of European Societies of Plant Biology (FESPB).

PONTIN, M; LIJAVETZKY, D; BOTTINI R; MARTINEZ-ZAPATER, JM; PICCOLI, P. Cambios en el perfil de transcritos de vid *Vitis vinifera* L. cv Malbec inducidos por radiación UV-B. null. Rosario, Argentina. 2008. Simposio. XIII Reunión Latinoamericana, XXVII Reunión Argentina de Fisiología Vegetal. Sociedad Argentina de Fisiología Vegetal

LIJAVETZKY, D; CABEZAS, JA; MARTINEZ-ZAPATER, JM. High throughput SNP discovery and genotyping in grapevine (*Vitis vinifera* L.) by combining a re-sequencing approach and SNPlex™ technology. null. Tenerife, España. 2007. Congreso. VI Plant Genomics European Meetings.

LIJAVETZKY, D. Desarrollo, análisis y aplicaciones de SNPs en vid (*Vitis vinifera* L). null. Ciego de Ávila (Cuba). 2007. Congreso. Bioveg 2007 "VI Congreso Internacional de Biotecnología y Agricultura Sostenible".

LIJAVETZKY, D; CABEZAS, JA; MARTINEZ-ZAPATER, JM. Possibilities to exploit natural genetic variation in grapevine. Development of high throughput molecular markers. null. Logroño, España. 2007. Workshop. Establishing biological function in grapevine. COST Action 858.

LIJAVETZKY, D; RUIZ-GARCIA, L; CABEZAS, JA; DE ANDRES, MT; IBANEZ, A; BRAVO, G; CARRENO, J; CABELLO, F; IBANEZ, J; VICENTE-RENEDE, T; MARTINEZ-ZAPATER, JM. Molecular genetics of berry color variation in grape. null. Venecia (Italia). 2006. Congreso. V Plant Genomics European Meetings.

VICENTE-CARBAJOSA, J; LIJAVETZKY, D; ABRAHAM, Z; LARA, P; CARBONERO, P. Comparative Genomic Analysis of the Rice and Arabidopsis DOF gene families. null. Barcelona, España. 2003. Congreso. 7th International Congress of Plant Molecular Biology.

FERNÁNDEZ, P; HEINZ, R; PANIEGO, N; LIJAVETZKY, D; FERNÁNDEZ, L; LOPEZ BILBAO, M; HOPP, HE. Characterisation of sunflower ESTs from leaf and developing flower. null. San Diego, USA. 2001. Congreso. Plant & Animal Genome IX. The International Conference on the Status of Plant and Animal Genome Research.

### PRODUCCION TECNOLÓGICA

#### ■ SERVICIOS CIENTIFICO - TECNOLÓGICOS:

LIJAVETZKY, D. Servicio permanente. **CARACTERIZACIÓN DE CLONES DE MALBEC MEDIANTE HERRAMIENTAS ANALÍTICAS Y GENÓMICAS**. 2011-03-01 - 2012-02-28. . Determinar características de productos y/o componentes de productos. Asesor, investigador o consultor individual. Pesos 25000.00. Producción vegetal.

LIJAVETZKY, D; BUSCEMA, F. Servicio permanente. **CARACTERIZACIÓN DE CLONES DE VID MEDIANTE HERRAMIENTAS ANALÍTICAS Y GENÓMICAS**. 2010-03-01 - 2011-02-28. . Determinar características de productos y/o componentes de productos. Asesor, investigador o consultor individual. Pesos 105000.00. Producción vegetal.

LIJAVETZKY, D; FERNÁNDEZ, L; HOPP, E. Servicio permanente. **Desarrollo De Marcadores Moleculares (Microsatélites Y Otros Marcadores De PCR) Ligados Al Brotado Precosecha En Sorgo Granífero Para Su Aplicación Al Mejoramiento Vegetal**. 2001-07-01 - 2004-12-31. . Determinar características de

---

productos y/o componentes de productos. Asesor, investigador o consultor individual. Dolares 20250.00.  
Produccion vegetal-Cereales.

■ **INFORME TECNICO:**

MUÑOZ, CLAUDIO JAVIER; CAPARRÓS, PABLO; BUSCEMA, F; PEÑA, ALVARO; LIJAVETZKY, D. Anuario de Viticultura y Enología Volumen 3 - 2010 Número 1. . 2010-03-01. p.67-71. Generación de Conocimiento. Biológica. Produccion vegetal-Hortalizas. 0.00 Pesos